

18-01180

REFERTO ANALISI

ACCETTAZIONE	DATA ACCETTAZIONE	DATA REFERTO	RICERCA ESEGUITA SU
18/01145	26/09/2018	15/10/2018 09:33	SANGUE INTERO IN EDTA
RAZZA	SESSO	DATA DI NASCITA	
DEVON REX	M	24/04/2017	
NOME	SPECIE	MICROCHIP / PEDIGREE	
EIHWAZ BEELFAGOR SEPTEN PRINCIPIA	GATTO	380260002897447 ENFI LO IT599	
PROPRIETARIO	CODICE RICHIESTA CLIENTE	MEDICO VETERINARIO	
Sig.ra SCIROCCO ILENIA FLORA		DOTT. BUFFA MASSIMO	

Nefropatia policistica

Metodo: PCR real-time

Ricerca mutazione c.1063C>A del gene PKD1

RISULTATO

Genotipo individuato

Wild-Type/Normale, N/N

Commento/Interpretazione

Il soggetto presenta entrambi gli alleli normali del gene PKD1 e trasmette alla discendenza l'allele normale.

Ipocaliemia

Metodo: PCR + sequenziamento diretto

Ricerca mutazione c.2899C>T del gene WNK4

RISULTATO

Genotipo individuato

Wild-Type/Normale, N/N

Commento/Interpretazione

Il soggetto presenta entrambi gli alleli normali del gene WNK4 e trasmette alla discendenza l'allele normale.

Miotonia congenita

Metodo: PCR + sequenziamento diretto

Ricerca mutazione c.1930+1G>T del gene CLCN1

RISULTATO

Genotipo individuato

Wild-Type/Normale, N/N

Commento/Interpretazione

Il soggetto presenta entrambi gli alleli normali del gene CLCN1 e trasmette alla discendenza l'allele normale.

Mucopolisaccaridosi tipo VII

Metodo: PCR + sequenziamento diretto

Ricerca mutazione c.1421T>G e c.1424C>T del gene GUSB

RISULTATO

Genotipo individuato

Wild-Type/Normale, N/N

Commento/Interpretazione

Il soggetto presenta entrambi gli alleli normali del gene GUSB e trasmette alla discendenza l'allele normale.

18-01180

REFERTO ANALISI

ACCETTAZIONE	DATA ACCETTAZIONE	DATA REFERTO	RICERCA ESEGUITA SU
18/01145	26/09/2018	15/10/2018 09:33	SANGUE INTERO IN EDTA
RAZZA		SESSO	DATA DI NASCITA
DEVON REX		M	24/04/2017
NOME		SPECIE	MICROCHIP / PEDIGREE
EIHWAZ BEELFAGOR SEPTEM PRINCIPIA		GATTO	380260002897447 ENFI LO IT599
PROPRIETARIO		CODICE RICHIESTA CLIENTE	MEDICO VETERINARIO
Sig.ra SCIROCCO ILENIA FLORA			DOTT. BUFFA MASSIMO

Sindrome miastenica congenita

Metodo: PCR + sequenziamento diretto

Ricerca mutazione c.1190G>A del gene COLQ**RISULTATO**

Genotipo individuato

Wild-Type/Normale, N/N

Commento/Interpretazione

Il soggetto presenta entrambi gli alleli normali del gene COLQ e trasmette alla discendenza l'allele normale.

Referto sottoscritto con firma digitale ai sensi degli artt. 20,21 n.2, 23 e 24 del d.Lgs. N. 82 del 7 marzo 2005 e successive modifiche. La copia cartacea è conforme all'originale depositato presso Synlab Toscana.
Firmato digitalmente da Michele Trotta, DVM PhD lunedì 15 ottobre 2018 alle 09:37

L'identificazione del soggetto è stata certificata dal medico veterinario che ha effettuato il prelievo

NOTA INFORMATIVA

Il mittente è responsabile delle informazioni riguardanti il materiale inviato, pertanto il Laboratorio non ne è responsabile.

Ogni obbligo ad eventuale risarcimento è limitato al solo valore del test eseguito.

Il risultato del presente referto si riferisce esclusivamente al campione sottoposto ad analisi.

Il presente referto non può essere riprodotto neanche parzialmente salvo approvazione scritta del Laboratorio.